ANGLAIS

9:15 AM

"From Protein Electrostatics to the Computational Modeling of Viruses and Antibody Design" by **Fernando BARROSO DA SILVA,** *Keynote speaker*

9:50 AM

"Evaluation of 50 Computational Tools for Predicting Pathogenicity of Genetic Variants: Unveiling representativeness issues on public datasets" by **Ragousandirane RADJASANDIRANE,** *PhD candidate BioSPC*

10:10 AM

"Computational analysis of the Biosynthesis Content of a Large Strain Collection" by **Yi ZIQI**, *Master student, AIRE*

10:30 AM

"Optimizing midlife metabolic syndrome thresholds for incident dementia : 21-year median follow-up in the Whitehall II cohort study." by **Sam VIDIL,** *Master student, IMB*

10:50 AM **COFFEE BREAK**

11:10 AM

"Modèles mathématiques et computationnels de la réponse immunitaire T CD8" by **Fabien CRAUSTE,** *Keynote speaker*

11:45 AM

"Analyse de type 'Tipping Point' pour l'analyse de survie" by **Clement DANIEL,** *Master student, IMB*

12:05 PM

"Estimation of absolute transcript number in single cell RNA-seq measurements" by **Thanina CHABANE,** *Master student, BI*

12:25 PM

"Using Graph Neural Network to predict Complex HaploInsufficiency in a digenic setting" by **Romain NICOLLES,** *PhD candidate, BioSPC*

12:45 PM **LUNCH**

2:00 PM

"Assessing the impact of sequence variations on protein functioning" by **Élodie LAINE,** *Keynote speaker*

2:35 PM

Healthcare/hospital IT applications: career opportunities and entrepreneurship

Animation: **Melissa NDEBI,** *Bioinformatics Engineer at Henri Mondor Hospital.*

Participants: **Jonathan IZCOVICH** (*Entrepreneur First*), **Arthur DELAPALME** (*Codoc*), **Rémi BESSON & Céline CHANTRY** (*Sonio*)

3:35 PM

“In silico study of antibody aggregation and development of a prediction tool for preventing antibody aggregation” by **Ravy LEON FOUN LIN**, *PhD candidate BioSPC*

3:55 PM

"Bioinformatics and machine-learning approaches for clinical assessment of copy number variants in rare disease patients" by **Antonio RAUSELL,** *Keynote speaker*

FRANCAIS

9h15

« De l'électrostatique des protéines à la modélisation informatique des virus et à la conception d'anticorps » **par Fernando BARROSO DA SILVA**, *Keynote speaker*

9h50

« Évaluation de 50 outils informatiques pour la prédiction de la pathogénicité des variantes génétiques : Mise en évidence des problèmes de représentativité sur des ensembles de données publiques » par **Ragousandirane RADJASANDIRANE**, *candidat au doctorat BioSPC*

10h10

« Analyse computationnelle du contenu en biosynthèse d'une grande collection de souches » par **Yi ZIQI**, *étudiant en Master, AIRE*

10h30

« Optimisation des seuils de syndrome métabolique en milieu de vie pour la démence incidente : suivi médian de 21 ans dans l'étude de cohorte Whitehall II » par **Sam VIDIL,** *étudiant en Master, IMB*

10h50 **PAUSE CAFÉ**

11h10

« Modèles mathématiques et computationnels de la réponse immunitaire T CD8 » par **Fabien CRAUSTE**, *Keynote speaker*

11h45

« Analyse de type 'Tipping Point' pour l'analyse de survie » par **Clément DANIEL,** *étudiant en Master, IMB*

12h05

« Estimation du nombre absolu de transcrits dans les mesures RNA-seq sur cellule unique » par **Thanina CHABANE,** *étudiante en Master, BI*

12h25

« Utilisation d'un réseau neuronal graphique pour prédire l'insuffisance haplo complexe dans un contexte digénique » par **Romain NICOLLES,** *doctorant, BioSPC*

12h45 **DÉJEUNER**

14h00

« Évaluer l'impact des variations de séquence sur le fonctionnement des protéines » par **Élodie LAINE,** *Keynote speaker*

14h35

Applications informatiques dans le domaine de la santé et de l'hôpital : opportunités de carrière et esprit d'entreprise

Animation : **Melissa NDEBI,** *ingénieure en bio-informatique à l'hôpital Henri Mondor*

Participants et participante : **Jonathan IZCOVICH** (*Entrepreneur First*), **Arthur DELAPALME** (*Codoc*), **Rémi BESSON & Céline CHANTRY** (*Sonio*)

15h35

« Étude in silico de l'agrégation des anticorps et développement d'un outil de prédiction pour la prévention de l'agrégation des anticorps" » par **Ravy LEON FOUN LIN,** *doctorant BioSPC*

15h55

« Approches bioinformatiques et d'apprentissage automatique pour l'évaluation clinique des variants du nombre de copies chez les patients atteints de maladies rares » par **Antonio RAUSELL,** *Keynote speaker*